



## Jihočeská univerzita v Českých Budějovicích Zemědělská fakulta

### Hodnocení diplomové práce - oponent

<b>Studijní program:</b>	Zemědělské inženýrství
<b>Studijní obor:</b>	Agroekologie
<b>Akademický rok:</b>	2016-17
<b>Název práce:</b>	Vliv polymorfismu kandidátního lokusu na technologické vlastnosti mléka
<b>Student:</b>	Bc. Angelina Mijailović
<b>Katedra:</b>	Genetiky a speciální produkce rostlinné
<b>Vedoucí práce:</b>	Prof. Ing. Jindřich Čitek, CSc.
<b>Oponent:</b>	doc. Ing. Luboš Vostrý, Ph.D.
<b>Pracoviště oponenta:</b>	ČZU Praha, FAPPZ, katedra genetiky a šlechtění

	Hlediska	Stupeň hodnocení						Nelze hodnotit
		A	B	C	D	E	F	
1	Splnění požadavků zadání	X						
2	Aktuálnost a odborná úroveň práce	X						
3	Práce s daty, informacemi a odbornou literaturou		X					
4	Vhodnost metodiky řešení	X						
5	Využití metod zpracování výsledků	X						
6	Interpretace výsledků, diskuse	X						
7	Formulace závěrů práce	X						
8	Odborný přínos práce a její praktické využití	X						
9	Přesnost formulací a práce s odborným jazykem	X						
10	Formální úprava práce a jazykové zpracování	X						

Hodnocení vyznačte **X** (slouží pro stanovení výsledné klasifikace)

**Konkrétní připomínky a otázky k obhajobě** (pro rozšíření lze použít samostatnou označenou přílohu):

Autorka se v diplomové práci věnuje studiu vlivu polymorfních variant lokusu SCD na technologickou jakost mléka – speciálně na spektrum masných kyselin. V první části práce se autorka věnuje rozsáhlé literární rešerši, která by podle mého názoru, mohla obsahovat větší podíl citací ze zahraniční vědecké literatury. Velmi pozitivně hodnotí vlastní přínos autorky. Lze konstatovat, že cíl práce byl splněn. Pro tři sledované genotypy byla pomocí metody  $\chi^2$  testu ověřena genetická rovnováha a následně byl pomocí statistických metod zkoumán rozdílný vliv jednotlivých genotypů na technologické vlastnosti mléka. Práci hodnotím velmi pozitivně a doporučuji ji k obhajobě.

K práci mám následující otázky:

Nemůže být statistická průkaznost mezi genotypy ovlivněna počtem analyzovaných jedinců?

Jaké četnosti studovaných genotypů se vyskytují u jiných plemen?

Proč byly rozdíly mezi skupinami genotypů testovány párovým t-tesem (str.46) a ne metodami podrobnějšího vyhodnocení analýzy rozptylu (mnohonásobného porovnávání) – například scheffeho nebo tuckeyho testem?

**Závěr:** Závěrečnou práci doporučuji obhajobě (ANO/NE): **ANO**

Navrhovaná výsledná klasifikace práce (slovně):

**v ý b o r n ě**

(výborně, velmi dobře, dobře, nevyhově/a)

Datum

Podpis oponenta

12. 5. 2017