

## **Posudek školitele na bakalářskou práci Edity Liškové: Genetická diverzita afrických plchů rodu *Graphiurus* (Rodentia, Gliridae)**

Předložená práce představuje prvotní vhled do genetické diverzity afrických plchů rodu *Graphiurus*. Taxonomie tohoto rodu je založená pouze na morfologických popisech, genetická data ve veřejně dostupných databázích nejsou téměř žádná a mapy rozšíření mnoha druhů jsou přinejmenším podivné. Během našich terénních výjezdů do východní Afriky se podařilo nashromáždit poměrně obsáhlý materiál. Editina práce navíc podnítila spolupráci s kolegy z pařížského muzea, kteří poskytli materiál ze západní Afriky a také s Vaškem Mikešem, který odchytil několik plchů v Kamerunu. Předběžné výsledky nasvědčují tomu, že srovnatelný taxonomický nepořádek najdeme snad už jen u afrických bělozubek. Cesta k důkladné taxonomické revizi afrických plchů bude ještě dlouhá a trnitá a jistě se neobejde bez osekvenování typového materiálu.

Edita do naší skupiny přišla hned v prvním ročníku na podzim roku 2016 nalákána roztomilou fotkou plcha na agitačním letáčku. Smyslem její bakalářské práce bylo naučit se samostatně pracovat v laboratoři, pochopit základy fylogenetické analýzy a v neposlední řadě pracovat s literaturou a psát smysluplný text – tedy položit solidní základy pro navazující magisterskou práci. Editu se nadšeně pustila do pipetování. V roce 2018 získala projekt SGA, díky kterému získala vlastní finance na osekvenování několika jaderných genů, a také odjela na expedici do Tanzanie. V laboratoři i v terénu se osvědčila jako velmi pracovitý člověk. Práce s daty už šla trochu hůře a tak místo původně plánované multilokusové analýzy zůstalo jen u cytochromu *b*. Pokud bych měla něco vytknout, tak je to nedostatečná práce s literaturou, místy až nechuť číst víc než jen abstrakty, která vyústila v několikeré odložení odevzdání práce.

Ačkoli se Editu rozhodla u nás v magisterském studiu nepokračovat, její práce dodala impuls k zahraniční spolupráci. Sekvence, které získala během své bakalářské práce, umožnily výběr jedinců z jednotlivých mitochondriálních kládů pro sekvenaci tzv. ultra conserved elements napříč genomem, které nám umožní delimitaci druhů a spolehlivé vyřešení jejich fylogenetických vztahů.

Jarmila Krásová

19.5.2021