

POSUDEK BAKALÁŘSKÉ PRÁCE

Jméno a příjmení studenta: **Monika Pittrová**
Studijní obor: Zdravotní laborant
Vedoucí bakalářské práce: RNDr. Martina Hrubá, Ph.D.
Katedra: Katedra laboratorních metod a informačních systémů
Název bakalářské práce: **ArrayCGH a její využití v preimplantační diagnostice**

Volba tématu:

- ~~1. Mimořádně aktuální~~
- 2. Aktuální pro danou oblast**
- ~~3. Užitečné a prospěšné~~
- ~~4. Standardní úroveň~~
- ~~5. Neobvyklé~~

Cíl práce a jeho naplnění:

- 1. Vhodně zvolený cíl, který byl naplněn**
- ~~2. Vhodně zvolený cíl, který byl částečně naplněn~~
- ~~3. Vhodně zvolený cíl, který nebyl naplněn~~
- ~~4. Nevhodně zvolený cíl~~

Struktura práce:

- ~~1. Originální – zdařilá~~
- ~~2. Logická – systémová~~
- 3. Logická – tradiční**
- ~~4. Pro dané téma tradiční~~
- ~~5. Pro dané téma nevhodná~~

Práce s literaturou:

- ~~1. Vynikající, použity dosud neběžné prameny~~
- 2. Velmi dobrá, použity nejnovější dostupné prameny**
- ~~3. Dobrá, běžně dostupné prameny~~
- ~~4. Slabá, zastaralé prameny~~

Vybavení práce (data, tabulky, grafy, přílohy):

- ~~1. Mimořádné, funkční~~
- 2. Velmi dobré, funkční**
- ~~3. Odpovídá nutnému doplnění textu~~
- ~~4. Nedostačující~~

Přínosy bakalářské práce:

- ~~1. Originální, inspirativní názory~~
- ~~2. Ne zcela běžné názory~~
- 3. Vlastní názor argumentačně podpořený**
- ~~4. Vlastní názor chybí~~

Uplatnění bakalářské práce v praxi a ve výuce:

- ~~1. Práci lze uplatnit v praxi~~
- 2. Práci lze uplatnit ve výuce**
- ~~3. Vhodná pro publikování~~
- ~~4. Práci nelze příliš využít ani v praxi ani při výuce~~

Formální stránka:

- ~~1. Výborná~~
- 2. Velmi dobrá**
- ~~3. Přijatelná~~
- ~~4. Nevyhovující~~

Jazyková stránka:

1. Stylistika a) výborná
b) velmi dobrá
c) dobrá
d) nevyhovující

2. Gramatika a) výborná
b) velmi dobrá
c) dobrá
d) nevyhovující

Zásadní připomínky k bakalářské práci:

1. nemám

2. mám tyto:

.....
.....
.....

Další hodnocení:

Předkládaná bakalářská práce se věnuje aktuálnímu tématu využití metody array komparativní genomové hybridizace (aCGH) v oblasti preimplantačních vyšetření. aCGH byla pro diagnostiku nebalancovaných forem familiárních chromosomových aberací i pro screening sporadických aneuploidií v raných embryonálních stádiích implementována v posledních několika letech a v současnosti je celosvětově pro zmiňovaná vyšetření tzv. zlatým standardem. V rámci ČR však toto vyšetření provádí zatím pouze omezený počet genetických laboratoří.

Bakalářská práce p. Pittrové shrnuje výsledky preimplantačních vyšetření provedených metodou aCGH v Genetické laboratoři IVF Zentren prof. Zech – Pilsen v roce 2014. Důraz je kladen zejména na výsledky preimplantačního genetického screeningu sporadických aneuploidií, který může přinést zásadní zlepšení úspěšnosti léčby neplodných párů a jehož přínos je v recentní literatuře pro různé skupiny pacientů stále zpřesňován.

Velmi oceňuji píli a samostatnost, kterou p. Monika Pittrová prokázala při zpracování posuzované bakalářské práce.

Kladně rovněž hodnotím zvládnutí experimentální části práce. P. Pittrová aktivně pomáhala v Genetické laboratoři IVF Zentren prof. Zech - Pilsen preimplantační vyšetření na platformě array komparativní genomové hybridizace v roce 2013 zavést a je s touto metodikou důkladně obeznámena.

Formální stránka bakalářské práce, včetně jejího rozsahu a struktury, je vyhovující, vlastní text však trpí množstvím překlepů a drobných formulačních nepřesností či stylistických neobratností. Tyto formální nedostatky však nemají zásadní vliv na celkové vyznění práce.

Zpracování dat a práci s literaturou považuji za odpovídající vzhledem k požadavkům kladeným na bakalářskou práci.

Práce splňuje základní požadavky kladené na tento typ prací, a proto ji doporučuji k ústní obhajobě:

1. **ano**

~~2. ne~~

Navrhovaná klasifikace:

~~1. výborně~~

2. **velmi dobře**

~~3. dobře~~

~~4. nevyhovět~~

Otázka k ústní obhajobě práce:

Vyšetřovací metody v lékařské genetice v současnosti procházejí rychlým vývojem, do rutinní laboratorní praxe jsou zaváděny mnohé pokročilé technologie, kromě různých čipových vyšetření to jsou zejména techniky masivního paralelního sekvenování (tzv. next generation sequencing).

Můžete podrobněji zmínit možnosti uplatnění těchto nově zaváděných metod (next generation sequencing, příp. čipových technologií, které nejsou předmětem obhajované práce) v oblasti preimplantačních vyšetření?

Datum: ...**24. 5. 2015**..... Podpis vedoucího bakalářské práce.....