

JIHOČESKÁ UNIVERZITA V ČESKÝCH BUDĚJOVICÍCH
Zdravotně sociální fakulta

POSUDEK BAKALÁŘSKÉ PRÁCE

Jméno a příjmení studenta: Hana Kaňková
Studijní obor: Zdravotní laborant
Vedoucí bakalářské práce: Mgr. Martin Kostka, Ph.D.
Katedra: Katedra laboratorních metod a informačních systémů
Název bakalářské práce: Molekulární charakterizace vybraných kmenů améb s důrazem na potenciální patogeny

Volba tématu:

1. Mimořádně aktuální
2. Aktuální pro danou oblast
3. Užitečné a prospěšné
4. Standardní úroveň
5. Neobvyklé

Cíl práce a jeho naplnění:

1. Vhodně zvolený cíl, který byl naplněn
2. Vhodně zvolený cíl, který byl částečně naplněn
3. Vhodně zvolený cíl, který nebyl naplněn
4. Nevhodně zvolený cíl

Struktura práce:

1. Originální – zdařilá
2. Logická – systémová
3. Logická – tradiční
4. Pro dané téma tradiční
5. Pro dané téma nevhodná

Práce s literaturou:

1. Vynikající, použity dosud neběžné prameny
2. Velmi dobrá, použity nejnovější dostupné prameny
3. Dobrá, běžně dostupné prameny
4. Slabá, zastaralé prameny

Vybavení práce (data, tabulky, grafy, přílohy):

1. Mimořádné, funkční
2. Velmi dobré, funkční
3. Odpovídá nutnému doplnění textu
4. Nedostačující

Přínosy bakalářské práce:

1. Originální, inspirativní názory
2. Ne zcela běžné názory
3. Vlastní názor argumentačně podpořený
4. Vlastní názor chybí

Uplatnění bakalářské práce v praxi a ve výuce:

1. Práci lze uplatnit v praxi
2. Práci lze uplatnit ve výuce
3. Vhodná pro publikování
4. Práci nelze příliš využít ani v praxi ani při výuce

Formální stránka:

1. Výborná
2. Velmi dobrá
3. Přijatelná
4. Nevyhovující

Jazyková stránka:

1. Stylistika a) výborná
b) velmi dobrá
c) dobrá
d) nevyhovující

2. Gramatika a) výborná
b) velmi dobrá
c) dobrá
d) nevyhovující

Zásadní připomínky k bakalářské práci:

1. nemám
2. mám tyto:

.....
.....
.....

Další hodnocení:

Hanka Kaňková se projevila jako velmi pilná a svědomitá studentka. Osvojila si široké spektrum laboratorních metod od kultivace mikroorganismů – v tomto případě améb – přes izolaci jejich DNA a PCR až po softwarové zpracování molekulárních dat – sekvencí. Práci v laboratoři zvládala bez problémů a samostatně. Ke zpracování jí byly dány i některé problematičtější vzorky, ze kterých jsme se v naší laboratoři již v minulosti za pomoci jiných primerů pokoušeli neúspěšně získat sekvenční data. Ani Hanka v tomto případě neuspěla, ale to jí samozřejmě nelze dávat za vinu: problém je, zdá se, v samotných vzorcích. Z řady jiných, zejména akantamébových kultur ovšem kvalitní sekvence získala; tato data, prezentovaná v předložené bakalářské práci, se stanou součástí rozsáhlého datasetu umožňujícího lépe pochopit evoluci potenciálně patogenních kmenů améb, jejich ekologické nároky, geografické rozšíření atp.

Rád bych zdůraznil, že v podstatě veškerá podrobnější literatura na téma amfizoických améb je psána anglicky; Hana byla schopna jednak relevantní publikace vyhledat a jednak je přečíst a porozumět jim.

Práce splňuje základní požadavky kladené na tento typ prací, a proto ji doporučuji k ústní obhajobě:

1. ano
2. ne

Navrhovaná klasifikace:

1. výborně
2. velmi dobře
3. dobře
4. nevyhověl

Otázka k ústní obhajobě práce:

Všechny studované akantaméby patří do genotypu T4, kdežto analyzované neglérie lze přiřadit do vícero druhů. Lze zodpovědně prohlásit, že zkoumané akantaméby jsou uniformnější nežli neglérie?

Datum: 31. 5. 2015 Podpis vedoucího bakalářské práce:


Mgr. Martin Kostka, PhD.